

Supplementary Table S3: Potential targets of miRNAs differentially expressed in the two maize inbred lines.

query	target	score	range	strand
PC-3p-190_11180	GRMZM2G427404_T01	0	2397-2420	1
	GRMZM2G330095_T01	1	1020-1043	1
PC-3p-104764_7	GRMZM2G360821_T01	0	1930-1954	1
	GRMZM2G385635_T01	0	1833-1857	1
	GRMZM2G448344_T01	0	5396-5420	1
	GRMZM2G308907_T01	0	884-908	1
	GRMZM2G385622_T01	3	106-130	1
PC-3p-129630_5	GRMZM2G308907_T01	1	883-910	1
	GRMZM2G360821_T01	1	1929-1956	1
	GRMZM2G385635_T01	1	1832-1859	1
	GRMZM2G448344_T01	1	5395-5422	1
PC-3p-552502_1	GRMZM2G055151_T01	0	1769-1805	1
	GRMZM2G030695_T01	0.5	655-691	1
PC-3p-793235_1	GRMZM2G448344_T01	2	1089-1119	1
PC-5p-139812_4	GRMZM2G448344_T01	0	1130-1158	1
zma-miR159a-3p_R-1	GRMZM2G534485_T01	0	159-178	1
	GRMZM2G416652_T01	1	890-909	1
	GRMZM2G416652_T02	1	890-909	1
	GRMZM2G167088_T01	1	1100-1119	1
	GRMZM2G127720_T01	2	33-52	1
	GRMZM2G004090_T01	2	926-945	1
	GRMZM2G423833_T01	2	906-925	1
	AC209015.3_FGT004	2.5	329-348	1
	GRMZM2G376684_T01	2.5	765-784	1
	GRMZM2G075064_T01	2.5	852-871	1
	GRMZM2G093789_T01	2.5	1121-1140	1
	GRMZM2G028054_T03	2.5	1361-1380	1
	GRMZM2G028054_T02	2.5	1420-1439	1
	GRMZM2G028054_T01	2.5	1510-1529	1
	GRMZM2G034372_T02	2.5	27-45	1
	GRMZM2G034372_T01	2.5	27-45	1
	GRMZM2G139688_T01	3	1400-1419	1
	AC204352.3_FGT012	3	651-670	1
	GRMZM2G410618_T01	3	552-572	1
	GRMZM2G311059_T01	3.5	275-294	1
	GRMZM2G046443_T01	3.5	350-369	1
	AC217264.3_FGT005	3.5	906-925	1
	GRMZM2G070523_T02	3.5	1045-1064	1
	GRMZM2G070523_T03	3.5	993-1012	1

	GRMZM2G070523_T01	3.5	1096-1115	1
	GRMZM2G038195_T01	3.5	1115-1134	1
	GRMZM2G038195_T02	3.5	1103-1122	1
	GRMZM2G085550_T02	3.5	887-906	1
	GRMZM2G063806_T01	3.5	2999-3019	1
	GRMZM2G105137_T01	4	155-174	1
	GRMZM2G161382_T01	4	2091-2110	1
	GRMZM5G897958_T01	4	1980-2000	1
	GRMZM2G039186_T01	4	1447-1465	1
	GRMZM2G084525_T02	4	1211-1229	1
	GRMZM2G084525_T01	4	1583-1601	1
	GRMZM2G405592_T01	4	32-50	1
	GRMZM2G371651_T01	4	87-105	1
	GRMZM2G123732_T01	4	18-36	1
	GRMZM2G123732_T02	4	8月26日	1
zma-miR160a-5p	GRMZM2G098377_T01	0	314-334	1
	AC207656.3_FGT002	1	1350-1370	1
	GRMZM2G005284_T01	1	1407-1427	1
	GRMZM2G390641_T02	1	1690-1710	1
	GRMZM2G390641_T01	1	1790-1810	1
	GRMZM2G153233_T01	1	1652-1672	1
	GRMZM2G159399_T01	1	1746-1766	1
	GRMZM5G808366_T01	1.5	1295-1315	1
	GRMZM2G081406_T01	2	1499-1519	1
	GRMZM2G061783_T04	4	219-239	1
	GRMZM2G328742_T01	4	1602-1621	1
zma-miR160f-5p_1ss21GA	GRMZM2G098377_T01	0	314-334	1
	AC207656.3_FGT002	1	1350-1370	1
	GRMZM2G005284_T01	1	1407-1427	1
	GRMZM2G390641_T02	1	1690-1710	1
	GRMZM2G390641_T01	1	1790-1810	1
	GRMZM2G153233_T01	1	1652-1672	1
	GRMZM2G159399_T01	1	1746-1766	1
	GRMZM5G808366_T01	1.5	1295-1315	1
	GRMZM2G081406_T01	2	1499-1519	1
	GRMZM2G061783_T04	4	219-239	1
	GRMZM2G328742_T01	4	1602-1621	1
zma-miR164a-5p	GRMZM2G139700_T01	2	737-757	1
	GRMZM2G393433_T01	2	854-874	1
	GRMZM2G393433_T02	2	814-834	1
	GRMZM2G063522_T01	2	895-915	1
	GRMZM2G114850_T01	2	1180-1200	1
	GRMZM2G305856_T02	3	988-1008	1

	GRMZM2G121649_T01	3.5	531-551	1
	GRMZM2G121649_T03	3.5	531-551	1
	GRMZM2G121649_T02	3.5	531-551	1
	GRMZM2G003342_T06	3.5	375-394	1
	GRMZM2G096358_T01	3.5	909-929	1
	GRMZM2G003342_T05	3.5	317-336	1
	GRMZM2G003342_T03	3.5	375-394	1
	GRMZM2G003342_T02	3.5	375-394	1
	GRMZM2G003342_T04	3.5	375-394	1
	GRMZM2G003342_T01	3.5	474-493	1
	GRMZM2G173085_T03	4	353-373	1
	GRMZM2G146380_T01	4	447-467	1
	GRMZM5G898290_T01	4	796-816	1
	GRMZM2G011553_T01	4	533-553	1
	GRMZM5G898290_T02	4	848-868	1
	GRMZM2G032351_T02	4	21-41	1
	GRMZM2G008819_T01	4	185-205	1
	AC196090.3_FGT006	4	806-826	1
	GRMZM2G032351_T01	4	21-41	1
	GRMZM2G086880_T01	4	413-433	1
	GRMZM2G089525_T01	4	403-423	1
	GRMZM2G113653_T01	4	547-568	1
	GRMZM2G173085_T01	4	352-372	1
	GRMZM2G173085_T02	4	352-372	1
	GRMZM2G087186_T03	4	2104-2125	1
	GRMZM2G087186_T02	4	2120-2141	1
	GRMZM2G087186_T01	4	2123-2144	1
	GRMZM2G087186_T04	4	2213-2234	1
	GRMZM2G001361_T01	4	1411-1431	1
	GRMZM2G133413_T01	4	160-181	1
	GRMZM2G020002_T03	4	433-452	1
	GRMZM2G020002_T02	4	433-452	1
	GRMZM2G020002_T01	4	433-452	1
	GRMZM2G457630_T02	4	187-206	1
	GRMZM2G457630_T01	4	187-206	1
	GRMZM2G027023_T04	4	1115-1134	1
	GRMZM2G027023_T03	4	1254-1273	1
	GRMZM2G027023_T01	4	1298-1317	1
zma-miR167e-5p_R+1	GRMZM2G502560_T01	1	987-1008	1
	GRMZM2G112769_T01	3.5	1349-1371	1
	GRMZM2G042623_T02	3.5	1235-1257	1
	GRMZM2G042623_T01	3.5	1349-1371	1
	GRMZM2G068328_T01	4	698-719	1

	GRMZM2G074094_T01	4	472-493	1
	GRMZM2G074094_T02	4	3013-3034	1
	GRMZM5G898898_T01	4	192-213	1
zma-miR167h-3p_L+1R+1	GRMZM2G077256_T03	3	1473-1492	1
	GRMZM2G077256_T02	3	1485-1504	1
	GRMZM2G077256_T01	3	1567-1586	1
	GRMZM5G801939_T01	3	395-416	1
	GRMZM2G145756_T01	3.5	4122-4142	1
	GRMZM2G129987_T01	3.5	480-499	1
	GRMZM2G101271_T01	3.5	143-164	1
	GRMZM2G430685_T02	3.5	510-529	1
	GRMZM2G362557_T01	4	2266-2286	1
	GRMZM2G076303_T02	4	2715-2735	1
	GRMZM2G129268_T01	4	1691-1712	1
	GRMZM2G009808_T01	4	2627-2646	1
zma-miR168a-5p	GRMZM5G899308_T01	0	1744-1764	1
	GRMZM2G162356_T01	3.5	477-497	1
	GRMZM2G022213_T01	4	652-673	1
zma-miR168b-3p_R+1_1ss12TC	GRMZM5G899308_T01	0	1698-1718	1
zma-miR172a_R+1	GRMZM5G862109_T01	2	1558-1578	1
	GRMZM2G176175_T01	2	1539-1559	1
	GRMZM2G176175_T02	2	1542-1562	1
	GRMZM2G700665_T02	2	1772-1792	1
	GRMZM2G700665_T03	2	1817-1837	1
	GRMZM2G700665_T01	2	1846-1866	1
	GRMZM5G862109_T03	2	1670-1690	1
	GRMZM5G862109_T02	2	1684-1704	1
	GRMZM2G383472_T01	2.5	735-755	1
	GRMZM2G017847_T01	2.5	1655-1675	1
	GRMZM5G878615_T05	2.5	1860-1880	1
	GRMZM5G878615_T06	2.5	1964-1984	1
	GRMZM5G878615_T02	2.5	2076-2096	1
	GRMZM5G878615_T03	2.5	2114-2134	1
	GRMZM5G878615_T07	2.5	2244-2264	1
	GRMZM5G878615_T04	2.5	2460-2480	1
	GRMZM2G160730_T01	3	1596-1616	1
	GRMZM2G160730_T02	3	1827-1847	1
	GRMZM5G803935_T01	3.5	278-298	1
	GRMZM2G076602_T01	4	897-917	1
	GRMZM2G174784_T03	4	2366-2386	1
	GRMZM2G174784_T02	4	2369-2389	1
	GRMZM2G174784_T01	4	2241-2261	1
	GRMZM2G086583_T01	4	387-408	1

	GRMZM2G168222_T02	4	619-638	1
	GRMZM2G168222_T01	4	619-638	1
	GRMZM2G168222_T04	4	608-627	1
	GRMZM2G168222_T03	4	613-632	1
	GRMZM2G157598_T01	4	712-731	1
zma-miR390a-5p	GRMZM2G304745_T01	1	242-262	1
	GRMZM2G084821_T04	4	611-631	1
	GRMZM2G084821_T05	4	634-654	1
	GRMZM2G084821_T02	4	1210-1230	1
	GRMZM2G588623_T01	4	344-365	1
	GRMZM5G806469_T01	4	470-491	1
	GRMZM2G080041_T01	4	507-527	1
	GRMZM2G155490_T01	4	606-626	1
	GRMZM5G821637_T03	4	16-36	1
	GRMZM5G821637_T04	4	16-36	1
	GRMZM5G821637_T05	4	16-36	1
	GRMZM5G815009_T01	4	495-515	1
	GRMZM5G815009_T02	4	495-515	1
	GRMZM2G121820_T01	4	854-874	1
	AC206831.3_FGT015	4	296-315	1
zma-miR396c_L-1	GRMZM2G124566_T02	1	629-649	1
	GRMZM2G124566_T01	1	653-673	1
	GRMZM2G045977_T01	1	801-821	1
	GRMZM5G893117_T01	1	512-532	1
	GRMZM2G098594_T03	1	337-357	1
	GRMZM2G034876_T03	1	662-682	1
	GRMZM2G098594_T06	1	566-586	1
	GRMZM2G018414_T02	1	452-472	1
	GRMZM2G129147_T01	1	639-659	1
	GRMZM5G850129_T01	1	609-629	1
	GRMZM2G067743_T03	1	537-557	1
	GRMZM2G033612_T02	1	633-653	1
	GRMZM2G067743_T02	1	538-558	1
	GRMZM5G850129_T03	1	609-629	1
	GRMZM2G034876_T02	1	662-682	1
	GRMZM2G098594_T02	1	627-647	1
	GRMZM2G098594_T01	1	644-664	1
	GRMZM2G105335_T02	1	594-614	1
	GRMZM2G105335_T01	1	594-614	1
	GRMZM5G850129_T02	1	741-761	1
	GRMZM2G067743_T01	1	661-681	1
	GRMZM2G119359_T01	1	535-555	1
	GRMZM2G018414_T01	1	742-762	1

	GRMZM2G129147_T02	1	819-839	1
	GRMZM5G850129_T04	1	741-761	1
	GRMZM2G034876_T01	1	662-682	1
	GRMZM2G098594_T04	1	837-857	1
	GRMZM2G041223_T01	1	887-907	1
	GRMZM2G099862_T02	3	557-577	1
	GRMZM2G099862_T03	3	643-663	1
	GRMZM2G099862_T01	3	690-710	1
	GRMZM2G099862_T04	3	444-464	1
	GRMZM2G178261_T04	3.5	570-590	1
	GRMZM5G853392_T03	3.5	382-402	1
	GRMZM2G178261_T05	3.5	204-224	1
	GRMZM2G178261_T03	3.5	393-413	1
	GRMZM2G178261_T02	3.5	483-503	1
	GRMZM5G853392_T02	3.5	1120-1140	1
	GRMZM5G853392_T04	3.5	1120-1140	1
	GRMZM2G178261_T01	3.5	999-1019	1
	GRMZM2G443903_T01	3.5	2337-2357	1
	GRMZM2G136578_T01	4	493-514	1
	GRMZM2G010452_T01	4	1632-1651	1
	GRMZM2G085038_T01	4	981-1001	1
zma-MIR397b-p3	GRMZM2G175856_T01	3.5	646-665	1
	GRMZM2G063452_T01	4	335-355	1
	GRMZM2G318849_T01	4	667-688	1
	GRMZM2G318849_T02	4	733-754	1
	GRMZM2G318849_T04	4	672-693	1
	GRMZM2G318849_T03	4	733-754	1
	GRMZM2G318849_T05	4	733-754	1
	GRMZM2G147420_T01	4	761-781	1
zma-miR399a-3p	GRMZM2G070591_T01	2.5	71-91	1
	GRMZM2G165734_T01	2.5	71-91	1
zma-miR408a	GRMZM5G866053_T01	2	8月28日	1
	GRMZM2G004012_T01	2.5	252-273	1
	GRMZM2G023847_T01	3	850-870	1
	GRMZM2G352678_T01	3.5	331-351	1
	GRMZM2G097851_T01	3.5	737-757	1
	AC199771.4_FGT001	4	191-210	1
	GRMZM2G082940_T01	4	653-673	1
	GRMZM2G336337_T01	4	362-382	1
	GRMZM5G814718_T01	4	276-296	1
	GRMZM2G384327_T02	4	1176-1196	1
	GRMZM2G331566_T02	4	172-193	1
	GRMZM2G384327_T05	4	1414-1434	1

	GRMZM2G384327_T03	4	1387-1407	1
	GRMZM2G384327_T04	4	1620-1640	1
	GRMZM2G062396_T01	4	630-649	1
	GRMZM2G165969_T02	4	591-612	1
	GRMZM2G096454_T01	4	334-353	1
	GRMZM2G165969_T01	4	566-587	1
	GRMZM2G165969_T03	4	496-517	1
zma-miR408b-5p	GRMZM2G147955_T01	3.5	559-579	1
	GRMZM2G704151_T01	4	593-612	1
	GRMZM2G097141_T01	4	188-208	1
	GRMZM2G114778_T01	4	629-648	1
	GRMZM2G114725_T01	4	629-648	1
	GRMZM2G177539_T02	4	174-193	1
	GRMZM2G177539_T01	4	174-193	1
	GRMZM2G304915_T02	4	1589-1608	1
	GRMZM2G304915_T03	4	1593-1612	1
	GRMZM2G304915_T04	4	1596-1615	1
	GRMZM2G108416_T01	4	1056-1075	1
zma-miR827-3p	GRMZM2G166976_T01	3	580-600	1
	GRMZM2G044788_T01	3.5	146-167	1
	GRMZM2G157422_T03	4	1977-1997	1
	GRMZM2G157422_T01	4	2416-2436	1
	GRMZM2G003992_T01	4	945-965	1
zma-miR827-5p_L+1	GRMZM2G044788_T01	3.5	245-266	1

Supplementary Table S4: Primers used in this study

Stem-loop RT primer and forward primer for miRNA reverse transcription and real-time RT-PCR (18 novel miRNAs)

miRNAs	Primer type	Primer sequence	T _m	Length	GC (%)
PC-3p-129630	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGTTAGAAAAGATT GAGCCGAATT	66.46	36	44
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACTGACTAATTC	74.22	50	52
PC-3p-201205	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGAGAAAAGATTG AGCCGAATT	66.55	34	47
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACTGACTAATTC	74.22	50	52
PC-3p-359801	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGAGAATAGACTAG AATAGATTATAG	65.29	38	39
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACTGACTTTTA	74.22	50	52
PC-3p-420698	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGATGCATCACCT GGGCGGCAG	74.70	35	65
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACTGACGTCGCC	77.50	50	60
PC-3p-552502	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGACTAGAATGAAC AATGCTGTAGCAATAAATG	68.88	45	42
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACTGACTTCTCG	75.86	50	56
PC-3p-564523	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGTTCTCCCCATG GATCCCT	71.57	33	60
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACTGACTCCCAA	75.86	50	56
PC-3p-793235	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGTCCAATGCTATC TAGTAATTTTCTA	66.30	40	40
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACTGACTGTAGG	75.86	50	56
PC-3p-1072330	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGATCGCCCTGATC GATGCCTA	71.37	34	58
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACTGACCGCGAT	76.68	50	57
PC-5p-864621	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGTTAGAACGAATC CCTCCATTATCATTA	68.27	41	43
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACTGACTGTATA	74.22	50	52
PC-5p-1134476	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGTCTTACTTTTGG CATTTGTGACAT	67.45	38	44

	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACAAGTCA	75.04	50	54
PC-5p-1164336	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGAAAGAGAAAA ATAAGTTAAG	62.99	35	37
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACTCATT	74.22	50	52
zma-MIR164e-p3	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGGAGCTCCCGGC GGCTTGGTGAGTTTGGGTG	78.29	44	65
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACAACGAC	75.86	50	56
zma-MIR164e-p5	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGCGACCATCCAGT TCCACTCCCGCTGGCTC	77.64	43	65
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACAGCAGC	76.68	50	57
zma-MIR166b-p5	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGGCGATTTGAGGA TGATCCATGCTTG	71.59	39	53
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACCACATG	75.86	50	56
zma-MIR166n-p3	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGCGCCGAGCTG TCGTGACC	76.19	34	70
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACATCTCC	75.86	50	56
zma-MIR169i-p3	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGATCGATCGATGA GAGGATGACGAA	70.69	38	52
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACTCAAGC	75.86	50	56
zma-MIR393a-p3	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGATGCGAGTCGAC GACAAGATCAGTGC	73.48	40	57
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACGGGATT	75.86	50	56
zma-MIR393c-p3	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGCGAGGACAAGC AGATCAGTCAGTCAA	73.27	41	56
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACAAGGGA	75.86	50	56
Universal Reverse		GTGCAGGGTCCGAGGTATTC	59.5	20	60
18S rRNA	Forward primer	CCATCCCTCCGTAGTTAGCTTCT	60.2	23	52
	Reverse primer	CCTGTGCGCCAAGGCTATATAC	59.99	22	54

Stem-loop RT primer and forward primer for miRNA reverse transcription and real-time RT-PCR (5 novel miRNAs)

miRNAs	Primer type	Primer sequence	Tm	Length	GC (%)
PC-3p-552502	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGACTAGAATGAAC AATGCTGTAGCAATAAATG	68.88	45	42
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACTTCTCG	75.86	50	56
PC-5p-139812	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGGAAGGGTAGAA AAAGTTATTAGA	66.41	37	43
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACTCGCTA	75.86	50	56
PC-3p-190	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGCCAACAGGATAT TGGGTA	67.93	32	53
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACAAGAAA	74.22	50	52
PC-3p-129630	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGTTAGAAAAGATT GAGCCGAATT	66.46	36	44
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACTAATTC	74.22	50	52
PC-3p-104764	Forward primer	ACACTCCAGCTGGGAGAAAAGATTG AGCCGAAT	66.6	33	48
	RT primer	GTCGTATCCAGTGCAGGGTCCGAGGT ATTCGCACTGGATACGACAATTCA	74.22	50	52
Universal Reverse		GTGCAGGGTCCGAGGTATTC	59.5	20	60
18S rRNA	Forward primer	CCATCCCTCCGTAGTTAGCTTCT	60.2	23	52
	Reverse primer	CCTGTCCGCAAGGCTATATAC	59.99	22	54

QRT-PCR primers for the miRNA targets

Gene	Forward primer	Reverse primer
GRMZM2G427404	AGCTTGTACAGTTTGGGAAGG	TGCTGCTCTAGCTAATTGCC
GRMZM2G385622	ACGGGAACTCCTCTCAGTGT	ATCCACAGGACCCAAATTGT
GRMZM2G330095	CTAGCATTCTACACGCAATGG	CCAATTTGCGACCTACCATA
GRMZM2G308907	CGATCTTGCTCGTGAAGGTA	TATCCATCGCTTTGAAACCA
GRMZM2G055151	GGGGCACCTTACTTCACTT	TCAACCGGAAGTAGTGCAAA
GRMZM2G030695	GGAGGTTTCGAATCCAATCA	CAATTCATGGTGGATAGTGGAA
GRMZM2G448344	GGTCGTCCTTTATTGGGATG	AGCGCATAAATGGTTGTGAG
GRMZM2G385635	CGATCTTGCTCGTGAAGGTA	TATCCATCGCTTTGAAACCA
GRMZM2G360821	CGATCTTGCTCGTGAAGGTA	TATCCATCGCTTTGAAACCA